

Únase a los proyectos Rosetta@home y Folding@home para ayudar en la búsqueda de medicamentos antivirales para combatir el COVID-19

Rosetta @ home es un proyecto global que usan las computadoras de voluntarios para modelar proteínas que se están utilizando para guiar el diseño de nuevas vacunas y medicamentos antivirales para combatir el covid-19.

Es muy sencillo, hacer clic en únete a Rosetta@home:

[Únete a Rosetta @ home](#)

Descargue el software de escritorio BOINC.

[Descargar BOINC](#)
for Windows 64-bit (9.28 MB)
(BOINC 7.16.5)

Ejecute el instalador.

Elija Rosetta @ home de la lista, o ingrese <http://boinc.bakerlab.org/rosetta/>

Su ordenador colaborará en el proyecto de modo oculto y sin molestias.

El programa **Folding@home** aprovecha el poder de sus ordenadores para avanzar en la investigación de coronavirus en general, y COVID-19 en particular, y ayudan a desarrollar un tratamiento.

“Folding@home” se puede ejecutar en paralelo con el programa Rosetta@home.

La primera ola de proyectos tiene como objetivo comprender mejor cómo estos coronavirus interactúan con el receptor ACE2 de las células humanas que permiten la entrada del virus en las células huésped y cómo los investigadores podrían cortocircuitar este mecanismo mediante nuevos anticuerpos o pequeñas moléculas que podrían interrumpir su interacción.

[Descargar Folding @ home](#)

Es un programa fiable libre de virus, aunque lo detecte como tal su antivirus.

¡Unámonos contra el COVID-19!